

ÉVOLUTION ET BIODIVERSITÉ MICROBIENNE IMPACT DU SÉQUENÇAGE DE NOUVELLE GÉNÉRATION

Le 7 décembre 2009 au C.I.S. de l'Institut Pasteur – Paris
<http://www.pasteur.fr/ip/easysite/go/03b-000031-000>

- **9h00 – 9h20** *Accueil*

9h20 – 10h40 **Méthodes et stratégies de séquençage**

Modérateur : Philippe Glaser

- 9h20-9h50 : P. Wincker, Genoscope, Évry : *Perspectives sur l'utilisation des nouvelles technologies de séquençage en génomique microbienne*
9h50-10h20 : J.-M. Claverie, CNRS, Marseille : *Microbial transcriptomics: from DNA array to NGS*
10h20-10h40 : C. Buchrieser, Institut Pasteur, Paris : *Exploration par NGS de la diversité des légionnelles*

- **10h40 – 11h00** *Pause café*

11h00 – 12h30 **Bioinformatique**

Modérateurs : Ivan Moszer et Éric Rivals

- 11h00-11h20 : S. Créno, Institut Pasteur, Paris : *Recherche de SNPs dans les génomes bactériens : résultats d'expériences avec le Genome Analyzer II*
11h20-11h45 : C. Médigue, Genoscope, Évry : *MicroEvolScope : Une plate-forme d'exploration de données NGS obtenues dans le cadre de projets d'évolution de génomes bactériens*
11h45-12h10 : G. Perrière, CNRS, Lyon : *Approches bioinformatiques pour l'étude de données de métagénomique des sols*
12h10-12h30 : Discussion ouverte au sujet de la bioinformatique

- **12h30 – 14h00** *Déjeuner - Hall du CIS*

14h00 – 15h30 **Dynamique des génomes**

Modérateur : Thierry Wirth

- 14h00-14h25 : D. Schneider, CNRS, Grenoble : *Genomic evolution during a long term bacterial experiment*
14h25-14h50 : B. Dujon, Institut Pasteur, Paris : *Évolution expérimentale des génomes de levure*
14h50-15h10 : C. d'Enfert, Institut Pasteur, Paris : *Candida albicans sous la loupe du NGS*
15h10-15h30 : É. Duchaud, INRA, Jouy-en-Josas : *Diversité génomique des espèces bactériennes du genre Flavobacterium*

- **15h30 – 16h00** *Pause café*

16h00 – 17h15 **Génomique des populations et métagénomique**

Modérateur : Sylvain Brisse

- 16h00-16h25 : E. Denamur, INSERM et Faculté Bichat, Paris : *Integration and recombination hot spots in the Escherichia coli genome*
16h25-16h50 : E. Navarro, IRD, Lyon : *Apport du séquençage massif à l'étude de la diversité et du fonctionnement des communautés bactériennes*
16h50-17h15 : S. Kennedy, INRA, Jouy-en-Josas : *The effects of diet and obesity on the human gut flora investigated through next generation sequencing*

17h15 – 17h30 **Discussion générale**

Organisateurs : **S. Brisse / P. Glaser / I. Moszer**

Contact : **Annie Etienne (courriel : annie.etienne@pasteur.fr)**

Inscription gratuite mais obligatoire — <http://www.pasteur.fr/ip/easysite/go/03b-000031-000>

